

## Diferenciación de tratamientos post-cosecha o de zonas geográficas con PCR-DGGE

DURAND, Noël<sup>\*</sup>, SUAREZ-QUIROZ, Mirna-Leonor<sup>\*\*</sup>, MEILE, Jean-Christophe<sup>\*</sup>, FONTANA Angélique<sup>\*</sup>, MACIA, Isabel<sup>\*\*\*</sup>, BASTIDE, Philippe<sup>\*</sup>, MARTINEZ, Amaury<sup>\*\*\*\*</sup>, MONTET Didier<sup>\*</sup>.

<sup>\*</sup>. UMR Qualisud (CIRAD, Université Montpellier II), 34095 Montpellier Cedex 5, France.

<sup>\*\*</sup>. Unidad de Investigación y Desarrollo en Alimentos, Instituto Tecnológico de Veracruz, 91860 Veracruz, Mexico.

<sup>\*\*\*</sup>. Universidad UNELLEZ, Guanare, Venezuela.

<sup>\*\*\*\*</sup>. Universidad UCB, Caracas, Venezuela.

La dinámica y la diversidad biológica de las poblaciones microbianas (hongos, levaduras y bacterias) en los granos de café fueron estudiadas con PCR-DGGE (Polymerase Chain Reaction - Denaturing Gradient Gel Electrophoresis), una técnica molecular rápida que proporciona una visión global de la microbiota asociada a la matriz del alimento. Se optimizaron los diferentes pasos de la técnica (extracción de ADN total y amplificaciones de PCR (16S, 26S y 28S ADNr de bacterias, levaduras y hongos filamentosos, respectivamente). Se estimaron los límites de detección y la repetibilidad del método para diferentes especies de hongos. La diversidad microbiana asociada a ambos procesamientos húmedos (lavado, semi-lavado, natural) y seca se evaluó en muestras de *Coffea arabica* L., que fueron recogidos durante las diferentes etapas de procesamiento post-cosecha en México y Venezuela. El objetivo de este estudio fue de mejorar el conocimiento de la microbiota asociada a diferentes métodos de procesamiento de café, para comprender la dinámica de las poblaciones microbianas relacionadas con el origen del café y los tratamientos post-cosecha.